



Información de la asignatura

Titulación: Grado en Biotecnología

Facultad: Facultad de Veterinaria y Ciencias Experimentales

Código: 1100406 **Nombre:** Proteómica

Créditos: 6,00 **ECTS** **Curso:** 4 **Semestre:** 1

Módulo: Métodos instrumentales cuantitativos y Biología Molecular de sistemas

Materia: Biología molecular de sistemas **Carácter:** Obligatoria

Departamento: Biotecnología

Tipo de enseñanza: Presencial

Lengua/-s en las que se imparte: Castellano, Inglés

Profesorado:

1104	<u>Monica Díez Díaz</u> (Profesor responsable)	monica.diez@ucv.es
1105D	<u>Monica Díez Díaz</u> (Profesor responsable)	monica.diez@ucv.es
1104GIQ	<u>Monica Díez Díaz</u> (Profesor responsable inglés)	monica.diez@ucv.es



Organización del módulo

Métodos instrumentales cuantitativos y Biología Molecular de sistemas

Materia	ECTS	Asignatura	ECTS	Curso/semestre
Técnicas instrumentales en Biotecnología	12,00	Técnicas Instrumentales Avanzadas	6,00	3/1
		Técnicas Instrumentales Básicas	6,00	2/1
Biología molecular de sistemas	12,00	Genómica	6,00	4/1
		Proteómica	6,00	4/1

Conocimientos recomendados

Se recomienda haber cursado Bioquímica, Biología Celular, Biología Molecular de Microorganismos , Ingeniería Genética y Molecular, Bioestadística, Genética Molecular y Bioinformática.



Resultados de aprendizaje

Al finalizar la asignatura, el estudiante deberá demostrar haber adquirido los siguientes resultados de aprendizaje:

- R1 Ha comprendido y asimilado los contenidos de la materia.
- R2 Es capaz de resolver problemas o casos prácticos relacionados con dichos contenidos, utilizando diferentes recursos (bibliográficos, informáticos, etc).
- R3 Es capaz de trabajar en un laboratorio, realizando correctamente las operaciones básicas y teniendo en cuenta las normas de seguridad correspondientes. Comprende la planificación, desarrollo y finalidad de la experiencia, y es capaz de contrastar y validar los resultados obtenidos.
- R4 Es capaz de elaborar un texto comprensible y organizado sobre diversos aspectos de la materia.
- R5 Es capaz de exponer y argumentar adecuadamente su trabajo.
- R6 Busca información bibliográfica de diferentes fuentes y sabe analizarla con espíritu crítico y constructivo.
- R7 Colabora con el profesor y compañeros a lo largo del proceso de aprendizaje; trabaja en equipo; es respetuoso en el trato; es proactivo y cumple las normas de organización de la asignatura.



Competencias

En función de los resultados de aprendizaje de la asignatura las competencias a las que contribuye son: (valora de 1 a 4 siendo 4 la puntuación más alta)

	BÁSICAS	Ponderación			
		1	2	3	4
CB1	Que los estudiantes hayan demostrado poseer y comprender conocimientos en un área de estudio que parte de la base de la educación secundaria general, y se suele encontrar a un nivel que, si bien se apoya en libros de texto avanzados, incluye también algunos aspectos que implican conocimientos procedentes de la vanguardia de su campo de estudio				X
CB2	Que los estudiantes sepan aplicar sus conocimientos a su trabajo o vocación de una forma profesional y posean las competencias que suelen demostrarse por medio de la elaboración y defensa de argumentos y la resolución de problemas dentro de su área de estudio			X	
CB3	Que los estudiantes tengan la capacidad de reunir e interpretar datos relevantes (normalmente dentro de su área de estudio) para emitir juicios que incluyan una reflexión sobre temas relevantes de índole social, científica o ética				X
CB4	Que los estudiantes puedan transmitir información, ideas, problemas y soluciones a un público tanto especializado como no especializado			X	
CB5	Que los estudiantes hayan desarrollado aquellas habilidades de aprendizaje necesarias para emprender estudios posteriores con un alto grado de autonomía			X	
	GENERALES	Ponderación			
		1	2	3	4
CG01	Capacidad de análisis y síntesis				X



ESPECÍFICAS	Ponderación			
	1	2	3	4
CE22 Conocer y comprender los conceptos, hechos esenciales, principios y teorías relacionadas con la Biotecnología			X	
CE23 Saber desenvolverse en un laboratorio utilizando el material e instrumentos adecuados y realizar las operaciones básicas específicas de cada disciplina, incluyendo seguridad, manipulación y eliminación de residuos y registro de actividades				X
CE24 Conocer las técnicas básicas e instrumentales de laboratorio en las diferentes disciplinas que integran la Biotecnología				X
CE25 Ser capaz de analizar e interpretar datos científicos en el ámbito de la Biotecnología				X
CE27 Conocer y aplicar los protocolos de actuación y los criterios de evaluación de procesos biotecnológicos				X
CE28 Integrar los fundamentos de las ciencias de la vida y de las ciencias de la ingeniería en el desarrollo de productos y aplicaciones biotecnológicas			X	
CE29 Ser capaz de contrastar y validar las conclusiones obtenidas en la experimentación Biotecnológica				X
CE30 Resolver y analizar problemas derivados de la práctica de la biotecnología				X
CE31 Describir y medir variables relevantes de procesos o experimentos				X
CE32 Ser capaz de aplicar distintos sistemas operativos y paquetes de software específicos para la práctica de la Biotecnología				X
CE33 Conocer y ajustarse en su actuación a las bases legales y éticas de los procesos y aplicaciones Biotecnológicas		X		
CE34 Conocer los elementos fundamentales de la comunicación y divulgación de las Biociencias moleculares y de la Biotecnología			X	
TRANSVERSALES	Ponderación			
	1	2	3	4
CT02 Capacidad de organización y planificación				X



Sistema de evaluación de la adquisición de las competencias y sistema de calificaciones

Resultados de aprendizaje evaluados	Porcentaje otorgado	Instrumento de evaluación
R1, R2, R3, R4, R6	65,00%	Prueba escrita
R1, R2, R5, R6	15,00%	Entrega de trabajos
R1, R2, R3, R4, R5, R6, R7	15,00%	Prueba de laboratorio
R1, R2, R3, R4, R6	5,00%	Resolución de problemas con el ordenador

Observaciones

Según la normativa general de evaluación y calificación, el sistema de evaluación preferente será mediante evaluación continua:

La entrega de trabajos se evaluará siguiendo un sistema de evaluación continua mediante entregas en las que se revisará la resolución o evolución de los mismos.

*Para aprobar la asignatura, se requiere un mínimo de 5/10 en cada una de las partes.

** La asistencia a TODAS las sesiones prácticas es OBLIGATORIA.

CRITERIOS PARA LA CONCESIÓN DE MATRÍCULA DE HONOR:

De conformidad con la normativa reguladora de la evaluación y la calificación de la asignatura vigente en la UCV, la mención de "Matrícula de Honor" podrá ser otorgada a los alumnos que hayan obtenido una calificación igual o superior a 9.0. El número de "Matrículas de Honor" no podrá exceder del cinco por ciento de los alumnos matriculados en el grupo en el correspondiente curso académico, salvo que el número de alumnos matriculados sea inferior a 20, en cuyo caso se podrá conceder una sola "Matrícula de Honor". De forma excepcional, se podrán asignar las matrículas de honor entre los diferentes grupos de una misma asignatura de manera global. No obstante, el número total de matrículas de honor a conceder será el mismo que si se asignaran por grupo, pero pudiéndose éstas, repartirse entre todos los alumnos en función de un criterio común, sin importar el grupo al que pertenece. Los criterios de concesión de "Matrícula de Honor" se realizarán según los criterios estipulados por el profesor responsable de la asignatura detallado en el apartado de "Observaciones" del sistema de evaluación de la guía docente.



Actividades formativas

Las metodologías que emplearemos para que los alumnos alcancen los resultados de aprendizaje de la asignatura serán:

- M1 Exposición de contenidos por parte del profesor, análisis de competencias, explicación y demostración de capacidades, habilidades y conocimientos en el aula.
- M2 Sesiones de trabajo grupal en grupos supervisadas por el profesor. Estudio de casos, análisis diagnósticos, problemas, estudio de campo, aula de informática, visitas, búsqueda de datos, bibliotecas, en red, internet, etc. Construcción significativa del conocimiento a través de la interacción y actividad del alumno.
- M3 Actividades desarrolladas en espacios con equipamiento especializado.
- M4 Sesiones monográficas supervisadas con participación compartida.
- M6 Atención personalizada y en pequeño grupo. Periodo de instrucción y/o orientación realizado por un tutor con el objetivo de revisar y discutir los materiales y temas presentados en las clases, seminarios, lecturas, realización de trabajos, etc.
- M7 Conjunto de pruebas orales y/o escritas empleadas en la evaluación inicial, formativa o aditiva del alumno.
- M8 Preparación en grupo de lecturas, ensayos, resolución de problemas, seminarios, trabajos, memorias, etc. para exponer o entregar en las clases teóricas, clases prácticas y/o tutorías de pequeño grupo. Trabajo realizado en la plataforma de la universidad.
- M9 Estudio del alumno: preparación individual de lecturas, ensayos, resolución de problemas, seminarios, trabajos, memorias, etc. para exponer o entregar en las clases teóricas, clases prácticas y/o tutorías de pequeño grupo. Trabajo realizado en la plataforma de la universidad.



ACTIVIDADES FORMATIVAS DE TRABAJO PRESENCIAL

	RESULTADOS DE APRENDIZAJE	HORAS	ECTS
CLASE PRESENCIAL M1	R1, R2, R5, R6, R7	30,00	1,20
CLASES PRÁCTICAS M2	R1, R2, R3, R5, R6, R7	9,00	0,36
LABORATORIO M3	R4	12,00	0,48
SEMINARIO M4	R1, R2, R6	6,00	0,24
TUTORÍA M6	R2, R3, R5, R6	1,50	0,06
EVALUACIÓN M7	R1, R2, R3, R4, R5, R6, R7	1,50	0,06
TOTAL		60,00	2,40

ACTIVIDADES FORMATIVAS DE TRABAJO AUTÓNOMO

	RESULTADOS DE APRENDIZAJE	HORAS	ECTS
TRABAJO AUTÓNOMO EN GRUPO M8	R1, R2, R3, R4, R5	18,00	0,72
TRABAJO AUTÓNOMO INDIVIDUAL M9	R1, R2, R3, R4	72,00	2,88
TOTAL		90,00	3,60



Descripción de los contenidos

Descripción de contenidos necesarios para la adquisición de los resultados de aprendizaje.

Contenidos teóricos:

Bloque de contenido	Contenidos
UNIDAD DIDÁCTICA 1: INTRODUCCIÓN A LA PROTEÓMICA	Tema 1: La Era Ómica: El salto de escala en Ciencias de la vida. Introducción a la tecnología Proteómica
UNIDAD DIDÁCTICA 2: TÉCNICAS FUNDAMENTALES	Tema 2: Técnicas de extracción de proteínas Tema 3: Técnicas inmunológicas de análisis de proteínas Tema 4: Electroforesis bidimensional de proteínas Tema 5: Espectrometría de masas MALDI-TOF. Identificación de proteínas mediante huella peptídica Tema 6: Espectrometría de masas en tándem (MS/MS) Tema 7: Análisis de modificaciones post-traduccionales Tema 8: DIGE: Proteómica de expresión diferencial con fluorocromos. Tema 9: Cuantificación de proteínas mediante técnicas cromatográficas
PRÁCTICAS DE LABORATORIO:	Abordaje de un proyecto de caracterización filogenética utilizando las técnicas proteómicas: cuantificación de proteínas, electroforesis, Western-blot y árbol filogenético.
UNIDAD DIDÁCTICA 3: TÉCNICAS AVANZADAS Y CASOS PRÁCTICOS	Tema 10: Micromatrices de proteínas Tema 11: Estudio de interacción de proteínas: Y2H, PD, CoIP Tema 12: Casos prácticos



Organización de las prácticas:

	Contenido	Ubicación	Horas
PR1.	Extracción de proteínas	Laboratorio	2,00
PR2.	Determinación de la concentración proteica	Laboratorio	2,00
PR3.	Electroforesis de proteínas y Western-blot	Laboratorio	8,00
PR4.	Árbol filogenético	Informática	2,00
PR5.	Análisis de resultados de MS y MS/MS	Informática	2,00
PR6.	Casos prácticos	Aula	5,00

Organización temporal del aprendizaje:

Bloque de contenido	Nº Sesiones	Horas
UNIDAD DIDÁCTICA 1: INTRODUCCIÓN A LA PROTEÓMICA	2,00	4,00
UNIDAD DIDÁCTICA 2: TÉCNICAS FUNDAMENTALES	17,00	34,00
PRÁCTICAS DE LABORATORIO:	6,00	12,00
UNIDAD DIDÁCTICA 3: TÉCNICAS AVANZADAS Y CASOS PRÁCTICOS	5,00	10,00



Referencias

Libros:

Proteins and Proteomics. A laboratory manual. Simpson, RJ (Ed). Cold Spring Harbor Laboratory Press, 2003.

Principles of proteomics. Richard M. Twyman. Garland Science, 2013. ISBN: 9780815344728.

Computational Methods for Mass Spectrometry Proteomics. Ingvar Eidhammer, Kristian Flikka, Lennart Martens, Svein-Ole Mikalsen. Wiley, 2008. ISBN-10: 0470512970.

Mass Spectrometry Data Analysis in Proteomics. Methods in Molecular Biology™ 367. Rune Matthiesen, Humana Press, 2007. <https://doi.org/10.1385/1597452750>.

Artículos:

Eisenberg,D., Marcotte,E.M., Xenarios,L.,Yeates,T.O. (2000) "Protein function in the postgenomic era". Science 405:837.

Gevaert,K., Vandekerckhove,J. (2000) "Protein identification methods in proteomics"
Electrophoresis 21:1145.

Pandey,A., Mann,M. (2000) "Proteomics to study genes and genomes". Nature: 837-846.

Bjellqvist,B., Ek,K., Righetti,P.G., Gianazza,E., Gorg, A, Westermeier,R., Postel,W. (1982)
"Isoelectric focusing in immobilized pH gradients: principle, methodology and some applications".
J Biochem Biophys Methods 6: 317.

Choe, L.H., Lee,K.H. (2000) "A comparison of three commercially available isoelectric focusing
units for proteome análisis: The multiphor, the IPGphor and the protean IEF cell". Eletrophoresis
21:993.

Görg, A., Obermaier, C., Boguth,G., Harder, A., Scheibe, B., Wildgruber, R. Weiss, W. (2000) The
current state of two dimensional electrophoresis with immobilized pH gradients". Electrophoresis
21, 1037.

Aebersold, R. Mann, M. (2003) Mass spectrometry-based proteomics. Nature 422:198-207.

Yates, J.R. (2004). "Mass spectral analysis in proteomics. Annu. Rev. Biophys. Biomol. Struct.
33:297-316.